

Introduzione

Sono stati forniti due campioni di globuli rossi che rappresentavano campioni di pazienti emoglobinopatici inviati per la genotipizzazione per facilitare il supporto trasfusionale. I laboratori sono stati invitati ad eseguire la genotipizzazione dei globuli rossi nello stesso modo in cui la eseguono per i campioni clinici, a registrare il metodo usato e a registrare il genotipo e il fenotipo presunto per D, Cc, Ee, MN, Ss, Kk, Fy^a, Fy^b, Fy, Jk^a, Jk^b, Do^a e Do^b.

Percentuale di ritorno / analisi dei dati

L'esercizio è stato distribuito a 56 laboratori, 13 nel Regno Unito e Repubblica d'Irlanda (ROI) e 43 al di fuori del Regno Unito. I risultati sono stati restituiti da 45/56 (80,4%) laboratori entro la data di chiusura.

Risultati test

Un laboratorio ha riportato la qualità del campione come non soddisfacente per entrambi i campioni, citando l'emolisi. Cinque laboratori hanno restituito risultati fuori consenso e questi sono evidenziati nella Tabella 1.

Tabella 1 – Risultati fuori consenso

Laboratory	Patient sample	Reported Genotype	Consensus genotype	Reported predicted phenotype	Consensus predicted phenotype
A	Patient 1	KEL*01/02	KEL*01/01	K+ k+	K+ k-
		FY*02/02	FY*01/02	Fy(a-b+)	Fy(a+b+)
		GATA mutation not present	GATA mutation not present		
	Patient 2	JK*01/02	JK*02/02	Jk(a+b+)	Jk(a-b+)
		KEL*01/01	KEL*01/02	K+ k-	K+ k+
		FY*01/02	FY*02/02	Fy(a+b+)	Fy(a-b+)
B	Patient 1	GATA mutation not present	GATA mutation not present		
		JK*02/02	JK*01/02	Jk(a-b+)	Jk(a+b+)
		GYPB*03/04	GYPB*04/04	S+ s+	S- s+
		KEL*02/02	KEL*01/01	K- k+	K+ k-
		FY*01/01	FY*01/02	Fy(a+b-)	Fy(a+b+)
C	Patient 1	GATA mutation not tested	GATA mutation not present		
		JK*01/02	JK*02/02	Jk(a+b+)	Jk(a-b+)
D	Patient 1	DO*02/02	DO*01/02	Do(a-b+)	Do(a+b+)
		FY*02/02	FY*01/02	Fy(a-b+)	Fy(a+b+)
E	Patient 1	GATA mutation not present	GATA mutation not present		
		FY*02/02	FY*01/02	Fy(a-b+)	Fy(a+b+)
E	Patient 1	RHD*01/01N.01	RHD*01N.01/01N.01	D negative	D negative
	Patient 2	RHD*01/01N.01	RHD*01N.01/01N.01	D negative	D negative

Discussione

Sembra che il Laboratorio A abbia trasposto i campioni o i risultati per i pazienti 1 e 2, risultando sei genotipi e sei corrispondenti fenotipi presunti errati. Il laboratorio E, presumibilmente commettendo un errore nell'immissione dei dati, ha registrato genotipi errati RHD*01 per entrambi i pazienti, ma ha registrato i fenotipi presunti corretti.

È necessario prestare attenzione nel confermare l'identità di tutti i campioni prima del test. Per i campioni clinici, ciò richiede un controllo completo dei dettagli demografici del paziente per garantire che i risultati vengano assegnati al paziente corretto. I campioni VEQ dovrebbero essere soggetti allo stesso processo con un controllo del numero del paziente e del codice dell'esercizio su ciascun campione.

Tra coloro che hanno risposto alla domanda, 22/43 (51,2%) dei laboratori hanno indicato che i loro risultati sono stati trascritti manualmente su un rapporto cartaceo o trascritti manualmente su un Sistema Informatico. Quando si immettono i dati per i campioni VEQ è importante verificare che i dati vengano registrati e trascritti rispetto al paziente corretto e questo vale anche per l'immissione manuale dei dati o la trascrizione dei risultati dei campioni clinici.

Risultati Paziente 1

RISULTATI DI CONSENSO		
GENOTIPO	FENOTIPO PRESUNTO	ANTIGENI
<i>RHD*01N.01/01N.01</i>	D negativo	D
<i>RHCE*c/c</i>	C-c+	CcEe
<i>RHCE*e/e</i>	E-e+	CeEe
<i>GYPA*01/02</i>	M+N+	MN
<i>GYPB*04/04</i>	S-s+	Ss
<i>KEL*01/01</i>	K+k-	Kk
<i>FY*01/02</i>	Fy(a+b+)	Fy ^a Fy ^b Fy
<i>GATA mutazione non presente</i>		
<i>JK*02/02</i>	Jk(a-b+)	Jk ^a Jk ^b
<i>DO*01/02</i>	Do(a+b+)	Do ^a Do ^b

Risultati Paziente 2

RISULTATI DI CONSENSO		
GENOTIPO	FENOTIPO PRESUNTO	ANTIGENI
<i>RHD*01N.01/01N.01</i>	D negativo	D
<i>RHCE*c/c</i>	C-c+	CcEe
<i>RHCE*e/e</i>	E-e+	CeEe
<i>GYPA*01/02</i>	M+N+	MN
<i>GYPB*04/04</i>	S-s+	Ss
<i>KEL*01/02</i>	K+k+	Kk
<i>FY*02/02</i>	Fy(a-b+)	Fy ^a Fy ^b Fy
<i>GATA mutazione non presente</i>		
<i>JK*01/02</i>	Jk(a+b+)	Jk ^a Jk ^b
<i>DO*01/02</i>	Do(a+b+)	Do ^a Do ^b